

| | | |
|--------------------------------|------------------|---------|
| Krankenkasse bzw. Kostenträger | | |
| Name, Vorname des Versicherten | | |
| | | geb. am |
| Kassen-Nr. | Versicherten-Nr. | Status |
| Betriebsstätten-Nr. | Arzt-Nr. | Datum |



Zentrum für Humangenetik

Anforderung
Molekulargenetische Diagnostik

bio.logis Zentrum für Humangenetik
im FIZ Frankfurter Innovationszentrum
Biotechnologie
Prof. Dr. med Daniela Steinberger
Fachärztin für Humangenetik

Altenhöferallee 3
60438 Frankfurt am Main
T +49 (0) 69-5308437-0
F +49 (0) 69-5308437-11
http://bio.logis.de · info@bio.logis.de

Bemerkungen (z.B. Verdachtsdiagnose, Fragestellung)
Bei genetischen Fragestellungen ist eine Abklärung der Situation und Befunde im Rahmen einer genetischen Beratung zu empfehlen.

Arztstempel und Unterschrift

Probenmaterial

- EDTA-Blut
- Heparin-Blut
- Chorionzotten
- Fruchtwasser
- Abortmaterial
- DNA
- Andere

Geschlecht des Probanden/Patienten

- weiblich
- männlich

Probengefäße (Anzahl)

Tag der Probennahme

Uhrzeit

Rechnungsart

- Kasse (Überweisungsschein Muster 10)
- Privat Selbstzahler

Rechnungsempfänger

- Einsender Proband/Patient

Befund

- Eilige Befundübermittlung per Fax

Duplikatsbefund an

Klinische Angaben und Indikation

Proband/Patient ist erkrankt ja nein
Familienangehörige erkrankt ja nein

wenn ja, welche(r) ist /sind betroffen

Angaben zum klinischen Verlauf, Anamnese, Vorbefunde

Ethnische Herkunft:

- West- / Nordeuropa
- Südeuropa
- Zentral- / Osteuropa
- Afrika
- Lateinamerika / Karibik
- Asien
- Naher Osten / Mittlerer Osten
- wenn möglich, genauere Beschreibung

Information und Einwilligungserklärung zur molekulargenetischen Untersuchung bei erblichen Erkrankungen

Die Einwilligungserklärung des Patienten bzw. des gesetzlichen Vertreters ist gemäß GenDG Voraussetzung für die Durchführung der Untersuchung.

Hiermit beauftrage ich bio.logis Zentrum für Humangenetik, die auf diesem Formular gekennzeichneten Untersuchungen aus meinem Probenmaterial (oder dem meines Kindes) durchzuführen.

Das folgende ist mir im Rahmen einer qualifizierten humangenetischen Beratung erläutert worden:

- Zweck dieser DNA-Analyse ist die Suche nach Veränderungen, die im Zusammenhang mit der folgenden genetischen Disposition oder Erkrankung stehen:
- Mit dem Ergebnis einer solchen Untersuchung kann:
 - festgestellt werden, ob eine oder keine bestimmte genetische Disposition bei mir (oder meinem Kind) vorliegt oder ob ein Risiko für die Entwicklung einer genetischen Erkrankung besteht.
 - angezeigt werden, ob ich (oder mein Kind) Träger dieser genetischen Disposition bin (ist).
 - ausgesagt werden, ob andere Familienmitglieder Träger der genetischen Disposition sind oder ein Risiko für die Entwicklung dieser Erkrankung haben.
 - in manchen Fällen keine eindeutige Antwort hinsichtlich einer Diagnose oder einer genetischen Disposition gegeben werden.
- Für die Interpretation von Ergebnissen genetischer Untersuchungen sind klinische Befunde und Angaben zu Erkrankungen von Familienangehörigen (Anamnese) eine wichtige Voraussetzung.
- Die Ergebnisse von bestimmten humangenetischen Untersuchungen können auf einen Vaterschaftsausschluss oder auf andere bisher unbekannte Familienbeziehungen hinweisen.
- Wenn die Untersuchung vorgeburtlich (pränatal) vorgenommen wird, kann es bei Probenentnahme zu einer Beimengung von mütterlichen Zellen kommen. Dies kann die Beurteilung der Untersuchungsergebnisse beeinflussen

und zu falschen Schlüssen führen. Um eine solche Situation auszuschließen, wird für jede molekulargenetische Analyse von pränatalen Proben eine „Mikrosatelliten-Analyse“ durchgeführt.

- Alle Untersuchungsergebnisse werden vertraulich behandelt und unterliegen der ärztlichen Schweigepflicht. Es ist allein meine Entscheidung, andere Familienmitglieder über genetische Risiken zu informieren.
- Die Untersuchungsergebnisse werden meinen, auf diesem Schein genannten, behandelnden Ärzten übermittelt.
- Die Ergebnisse der Untersuchung dürfen länger als die vorgeschriebene Frist von 10 Jahren aufbewahrt werden (z. B. für Familienuntersuchungen).
- Nach Abschluss der Analyse verbleibendes Untersuchungsmaterial übergebe ich gemäß § 950 BGB dem Labor, welches die Analyse durchgeführt hat. Der möglichen Verwendung von anonymisiertem Untersuchungsmaterial für wissenschaftliche Zwecke stimme ich zu.

(Nicht Zutreffendes bitte streichen)

Über mein Recht die Einwilligung jederzeit widerrufen zu können, wurde ich informiert. Ich habe diese Einverständniserklärung gelesen und verstanden. Mit meiner Unterschrift bestätige ich nach erfolgter Aufklärung und ggf. genetischer Beratung mein Einverständnis mit der geplanten genetischen Analyse und der dafür erforderlichen Blut-/Gewebeentnahme.

Ort / Datum

Name/Vorname: Beratender Arzt (Druckschrift)

Unterschrift

Name/Vorname: Patient / Erziehungsberechtigter (Druckschrift)

Unterschrift

Untersuchungen alphabetisch (Pharmakogenetik siehe Seite 5)

| | OMIM | | OMIM | | OMIM |
|---|--------|---|-------------------------------------|---|----------------|
| ○ Achondrogenesis Typ 1B | 600972 | ○ Dentato-Rubro-Pallido-Luysiane Atrophie, DRPLA ² | 125370 | ○ Long QT Syndrom | |
| ○ Achondrogenesis Typ 2 | 200610 | ○ Denys-Drash Syndrom | 194080 | ○ Jervell u. Lange-Nielsen Syndrom (JLNS1) ² | 220400 |
| ○ Achondroplasie | 100800 | ○ Diastrophische Dysplasie | 222600 | ○ Romano-Ward Syndrom (RWS) | 192500 |
| ○ Adenosin-Deaminase Mangel | 102700 | ○ Dystonien, hereditäre Formen | | ○ Mammakarzinom / Ovarialkarzinom | 604370, 612555 |
| ○ Adipositas | | ○ DOPA responsive Dystonie | 128230 | ○ BRCA1-Genanalyse | 113705 |
| ○ Melanocortin-4-Rezeptor (MC4R-Genanalyse) | 155541 | ○ Torsionsdystonie, idiopathische | 128100 | ○ BRCA2-Genanalyse | 600185 |
| ○ Proopiomelanocortin (POMC-Genanalyse) | 176830 | ○ Paroxysmale Dystonie | 118800 | ○ CHEK2-Polymorphismus | 604373 |
| ○ Adrenogenitales Syndrom | | ○ Choreoathetose (PNKD1) | | ○ ATM-Polymorphismus | 607585 |
| ○ 21-Hydroxylase-Mangel | 201910 | ○ Ehlers-Danlos Syndrom Typ 7 A/B | 130060 | ○ Marfan Syndrom | 154700 |
| ○ 11β-Hydroxylase-Mangel ² | 202010 | ○ Epiphysäre Dysplasie, multipel | 226900 | ○ Maturity Onset Diabetes of the Young | 606391 |
| ○ 17α-Hydroxylase-Mangel ² | 202110 | ○ Faktor II, siehe Prothrombin | 176930 | ○ MODY Typ 1 (HNF4α-Genanalyse) | 125850 |
| ○ 3β-Hydroxysteroid-Dehydrogenase-Mangel ² | 201810 | ○ Faktor V-Leiden-Polymorphismus | 227400 | ○ MODY Typ 2 (GCK-Genanalyse) | 125851 |
| ○ Akromesomale Dysplasie | | ○ Familiäre adenomatöse Polyposis coli (FAP) ² | 175100 | ○ MODY Typ 3 (HNF1α-Genanalyse) | 600496 |
| ○ Typ Hunter-Thompson | 201250 | ○ Familiäre Dysautonomie (Riley-Day Syndrom) | 223900 | ○ MODY Typ 4 (PDX1-Genanalyse) | 606392 |
| ○ Typ Maroteaux | 602875 | ○ Familiäres kälteinduziertes auto-inflammatorisches Syndrom (FCAS) | 120100 | ○ MODY Typ 5 (HNF1β-Genanalyse) | 137920 |
| ○ Akute lymphatische Leukämie (ALL,BCR/ABL) | 151410 | ○ Familiäres Mittelmeerfieber (FMF) | 249100 | ○ MODY Typ 6-11 | |
| ○ Alagille Syndrom ² | 118450 | ○ Fanconi Anämie ^{1,2} | 227650 | ○ Medium-Chain-Acyl-CoA-Dehydrogenase-Mangel (MCAD) ² | 201450 |
| ○ Aldolase B-Mangel | 229600 | ○ Fazio-Scapulo-Humerale Muskeldystrophie (FSHD) ² | 158900 | ○ MELAS Syndrom (mitochondriale Myopathie) | 540000 |
| ○ Fruktoseintoleranz, hereditäre) | | ○ Fetale Akinesie Deformationssequenz | 208150 | ○ MERRF (mitochondriale Myopathie) ² | 545000 |
| ○ α1-Antitrypsin Proteinase Inhibitor-Mangel | 613490 | ○ RAPSN Genanalyse | | ○ Mesomale Dysplasie Typ Langer | 249700 |
| ○ α-Galaktosidase-A-Mangel (Morbus Fabry) | 301500 | ○ DOK7 Genanalyse | | ○ Metaphysäre Chondrodysplasie Typ Schmid | 156500 |
| ○ Alzheimer Krankheit | 104300 | ○ Fokale dermale Hyperplasie (Goltz-Gorlin Syndrom) | 305600 | ○ Morbus Crohn (CARD15-Polymorphismen) | 266600 |
| ○ Typ 1, APP-Genanalyse ² | 104760 | ○ Fragiles-X Syndrom | 300624 | ○ Morbus Fabry (α-Galaktosidase-A-Mangel) | 301500 |
| ○ Typ 3, PSEN1-Genanalyse ² | 104311 | ○ Frasier Syndrom | 136680 | ○ Morbus Wilson | 277900 |
| ○ Typ 4, PSEN2-Genanalyse ² | 600759 | ○ Friedreich'sche Ataxie ² | 229300 | ○ MTHFR (c.665C>T Polymorphismus) | 607093 |
| ○ Apolipoprotein E | 107741 | ○ Fructoseintoleranz, angeborene (Aldolase B-Mangel) | 229600 | ○ (Homozysteinspiegel >50μmol/L) | |
| ○ Amyloidosepolyneuropathie, familiär ² | 176300 | ○ Fukosidose | 230000 | ○ Muckle-Wells Syndrom | 191900 |
| ○ Amyloidose, familiär visceral ² | 105200 | ○ Glukose-6-Phosphat-dehydrogenase-Mangel (G6PD) | 305900 | ○ Muenke Syndrom (siehe FGFR assoziierte Craniosynostosen) | 602849 |
| ○ LYZ-Genanalyse | 153450 | ○ Hämochromatose | 235200 | ○ Muir-Torre Syndrom | 158320 |
| ○ FGA-Genanalyse | 134820 | ○ Hämophilie A ² | 306700 | ○ Multiple endokrine Neoplasie | |
| ○ APOA1-Genanalyse | 107680 | ○ Hämophilie B ² | 306900 | ○ Typ 1 (MEN1) ² | 131100 |
| ○ Amyotrophe Lateralsklerose ² | | ○ Hereditäre motorisch sensible Neuropathie (HMSN,CMT) ² | 601097,304040, 159440,129010,605725 | ○ Typ 2 (MEN2) | 171400 |
| ○ ALS1, SOD1-Genanalyse | 105400 | ○ HIV Wirtsresistenz (CCR5, CCR2, SDF1-Genotypisierung) | 601373, 600835 | ○ Multiples Pterygium Syndrom, letaler Typ | 253290 |
| ○ ALS2, Alsin-Genanalyse | 205100 | ○ Holooprosencephalie 2, nicht syndromal | 157170 | ○ Multiples Pterygium Syndrom, nicht letaler Typ | 265000 |
| ○ Angelman Syndrom | 105830 | ○ Hypercholesterinämie | | ○ Muskeldystrophie | |
| ○ Methylierungsanalyse SNRPN-Genregion | | ○ Apolipoprotein B (APOB-Genotypisierung) | 107730 | ○ Typ Becker | 300376 |
| ○ UBE3A-Genanalyse | | ○ Apolipoprotein E (APOE-Genotypisierung) | 107741 | ○ Typ Duchenne | 310200 |
| ○ Angioödem Typ 3, hereditär | 610618 | ○ LDL-Rezeptor (LDLR-Genanalyse) | 606945 | ○ Myasthenisches Syndrom, kongenital ² | 608930 |
| ○ Angiotensin-II Rezeptor, Typ 1 | 106165 | ○ Hyper-IgD Syndrom (HIDS) | 260920 | ○ CHRNA1-Genanalyse | |
| ○ Aniridie | 106210 | ○ Hyperinsulinismus, familiär | 256450 | ○ CHRN1-Genanalyse | |
| ○ Apert Syndrom (siehe FGFR assoziierte Craniosynostosen) | 101200 | ○ ABCC8-Genanalyse | 600509 | ○ CHRN2-Genanalyse | |
| ○ Apolipoprotein B (APOB-Genotypisierung) | 107730 | ○ KCNJ11-Genanalyse | 600937 | ○ Myeloproliferative Erkrankungen (JAK2-Genanalyse: p.V617F Mutation) | 147796, 263300 |
| ○ Apolipoprotein E (APOE-Genotypisierung) | 107741 | ○ GCK-Genanalyse | 138079 | ○ Myotone Dystrophie ² | |
| ○ ARX-assozierte Erkrankungen ² | 300382 | ○ GLUT1-Genanalyse | 138130 | ○ Typ 1 (Curschmann-Steinert Syndrom) | 160900 |
| ○ Ataxia-Telangiectasia | 208900 | ○ Hypochondroplasie | 146000 | ○ Typ 2 (proximale myotone Myopathie PROMM) | 602668 |
| ○ Azoospermiefaktor (AZF) ² | 415000 | ○ Jackson-Weiss Syndrom (siehe FGFR assoziierte Craniosynostosen) | 123150 | ○ Nagel-Patella Syndrom | 161200 |
| ○ Beckwith-Wiedemann Syndrom | 130650 | ○ Kallmann Syndrom | | ○ NARP | 516060 |
| ○ Brachydactylie Typ B2 | 611377 | ○ Typ 2 | 147950 | ○ Neurofibromatose | |
| ○ Brachydactylie Typ C | 113100 | ○ Typ 3 | 244200 | ○ Typ 1 (NF1) | 162200 |
| ○ Butyrylcholinesterase-Mangel | 177400 | ○ Typ 4 | 610628 | ○ Typ 2 (NF2) ² | 101000 |
| ○ CADASIL | 125310 | ○ Typ 5 | 612370 | ○ Noonan Syndrom | 163950 |
| ○ Charge Syndrom | 214800 | ○ Typ 6 | 612702 | ○ Nystagmus infantil, x-linked | 310700 |
| ○ Chondrodysplasie Typ Grebe | 200700 | ○ Kardiomyopathie ² | | ○ Osteogenesis imperfecta | 166200 |
| ○ Chorea Huntington ² 2x5ml EDTA-Blut | 143100 | ○ dilatativ (CMD1A) | 115200 | ○ Pankreatitis, hereditär | 167800 |
| ○ Chronisch myeloische Leukämie (CML) | 608232 | ○ hypertrophisch familiär (CMH) | 192600 | ○ PRSS1-Genanalyse | |
| ○ BCR/ABL qual. | | ○ hypertrophisch infantil | 604377 | ○ SPINK1-Genanalyse | |
| ○ BCR/ABL quant. ^{2,6} | | ○ Kleinwuchs, klinisch nicht eindeutig klassifizierbar | | ○ CFTR-Genanalyse | |
| Angabe des BCR/ABL-Bruchpunktes erforderlich | | ○ Kniest Dysplasie | 156550 | ○ Peutz-Jeghers Syndrom | 175200 |
| ○ CINCA Syndrom | 607115 | ○ Kolonkarzinom, nicht-polypös familiär (HNPCC) ² | 120435 | ○ Pfeiffer Syndrom | 101600 |
| ○ Cleidocraniale Dysplasie | 119600 | ○ Kontraktur Syndrom 1, angeboren letal | 253310 | ○ Plasminogen-Aktivator Inhibitor 1 (PAI-1) | 173360 |
| ○ Congenitale Aplasie des Vas deferens (CAVD/CBAVD) | 277180 | ○ Kontraktur Syndrom 2, angeboren letal | 607598 | ○ polyzystische Nierenerkrankung (ARPKD) | 263200 |
| ○ Craniosynostose (FGFR-assoziert) | | ○ Laktoseintoleranz (c.-13910 T>C-polymorphismus) | 223100 | ○ Prader-Willi Syndrom | 176270 |
| ○ Apert Syndrom | 101200 | ○ Lateralsklerose, primäre (juvenile Form) ² | 606353 | ○ Prostatakarzinom (PCA3-Analyse) ^{2,7} | 604845 |
| ○ Crouzon Syndrom | 123500 | ○ LDL-Rezeptor (LDLR-Genanalyse) | 606945 | Für gesetzlich Krankenversicherte derzeit Selbstzahlerleistung | |
| ○ Jackson-Weiss Syndrom | 123150 | ○ Lebersche hereditäre Optikusneuropathie (LHON) ² | 535000 | ○ Prothrombin c.*97G>A Polymorphismus | |
| ○ Muenke Syndrom | 602849 | ○ LEOPARD Syndrom | 151100 | ○ Prothrombin Faktor II-Genanalyse | |
| ○ Pfeiffer Syndrom | 101600 | ○ Léri-Weill Syndrom | 127300 | ○ Pseudoachondroplasie | 177170 |
| ○ Crigler-Najjar Syndrom | | | | ○ Rett Syndrom (MECP2-Genanalyse) ² | 312750 |
| ○ Typ 1 | 218800 | | | ○ Riley-Day Syndrom (familiäre Dysautonomie) | 223900 |
| ○ Typ 2 | 606785 | | | ○ Rubinstein-Taybi Syndrom | 180849 |
| ○ Crouzon Syndrom (siehe FGFR assoziierte Craniosynostosen) | 123500 | | | ○ CREBBP-Genanalyse | |
| ○ Cystische Fibrose | 602421 | | | ○ EP300-Genanalyse | |
| ○ Mutations Screening (OLA) | | | | | |
| ○ „Middle East“-Panel | | | | | |
| ○ CFTR-Genanalyse | | | | | |

Untersuchungen alphabetisch (Fortsetzung)

| | OMIM | | OMIM | | OMIM |
|---|--|---|---------------|-----------------------------------|------|
| <input type="checkbox"/> Schilddrüsenhormonresistenz | 188570 | <input type="checkbox"/> Tay-Sachs Erkrankung | 272800 | <input type="checkbox"/> Sonstige | |
| <input type="checkbox"/> Sensorineurale nicht-syndromale Hörstörung | | <input type="checkbox"/> Thanatophore Dysplasie | 187600,187601 | | |
| <input type="checkbox"/> Connexin-26 (<i>GJB2</i> -Genanalyse) | 121011 | <input type="checkbox"/> <i>TPMT</i> -Genotypisierung | 187680 | | |
| <input type="checkbox"/> Connexin-30 (<i>GJB6</i> -Genanalyse) | 604418 | <input type="checkbox"/> Tuberosöse Sklerose ² | 191100 | | |
| <input type="checkbox"/> Connexin-30.3 (<i>GJB4</i> -Genanalyse) | 605425 | <input type="checkbox"/> <i>TSC1</i> -Genanalyse | | | |
| <input type="checkbox"/> Connexin-31 (<i>GJB3</i> -Genanalyse) | 603324 | <input type="checkbox"/> <i>TSC2</i> -Genanalyse | | | |
| <input type="checkbox"/> Connexin-32 (<i>GJB1</i> -Genanalyse) | 304040 | <input type="checkbox"/> Tumornekrosefaktor-Rezeptor-1-assoziertes Syndrom (TRAPS) | 142680 | | |
| <input type="checkbox"/> SHOX-Defizienz | | <input type="checkbox"/> Uniparentale Disomie (UPD) Chromosom: | | | |
| <input type="checkbox"/> Léri-Weill Syndrom | 127300 | | | | |
| <input type="checkbox"/> Mesomele Dysplasie Typ Langer | 249700 | | | | |
| <input type="checkbox"/> Kleinwuchs, klinisch nicht eindeutig klassifizierbar | | | | | |
| <input type="checkbox"/> Sichelzellanämie | 603903 | <input type="checkbox"/> Verwandtschaftsanalyse ² | | | |
| <input type="checkbox"/> Silver-Russel Syndrom | 180860 | <input type="checkbox"/> Abstammungsgutachten (Vater, Mutter, Kind) | | | |
| <input type="checkbox"/> Spinale Muskelatrophie (SMA)Typ 1-3 | 253300, 253550, 253400 | <input type="checkbox"/> gerichtsfähiges Abstammungsgutachten (Vater, Mutter, Kind) | | | |
| <input type="checkbox"/> Spinalparalyse, hereditäre spastische ² | 607225 | <input type="checkbox"/> Defizienzfall (Geschwisteranalysen usw.) | | | |
| <input type="checkbox"/> Spinocerebelläre Ataxie (SCA) ² Typ 1, 2, 3, 6, 7, 17 | 164400, 183090, 109150, 183086, 164500, 608768, 607136 | Bitte gesondertes Anforderungsformular mit Identitätsnachweis bei bio.logis Zentrum für Humangenetik anfordern! | | | |
| <input type="checkbox"/> Spondyloepiphysäre Dysplasie, congenital | 183900 | <input type="checkbox"/> von Hippel-Lindau Syndrom (VHL) | 193300 | | |
| <input type="checkbox"/> Stickler Syndrom Typ 1 | 108300 | <input type="checkbox"/> Waardenburg Syndrom | | | |
| <input type="checkbox"/> Surfactant-Protein B-Defizienz ² | 178640 | <input type="checkbox"/> Typ 1 | 193500 | | |
| <input type="checkbox"/> α -Thalassämie ^{2,5} | 141800 | <input type="checkbox"/> Typ 2 | 193510 | | |
| <input type="checkbox"/> Thalassämia major | | <input type="checkbox"/> Typ 3 | 148820 | | |
| <input type="checkbox"/> Thalassämia minor | | <input type="checkbox"/> Typ 4 | 277580 | | |
| <input type="checkbox"/> β -Thalassämie ^{2,5} | 141900 | <input type="checkbox"/> WAGR Syndrom | 194072 | | |
| <input type="checkbox"/> Thalassämia major | | <input type="checkbox"/> Wilms-Tumor (<i>WT1</i> -Genanalyse) | 194070 | | |
| <input type="checkbox"/> Thalassämia minor | | <input type="checkbox"/> Wiskott-Aldrich Syndrom ² | 301000 | | |

Untersuchungen nach Fachgebieten, Krankheits-/Themengruppen

| | OMIM | | OMIM | | OMIM |
|---|--------|---|----------------|--|--------|
| 1. Endokrinologie | | <input type="checkbox"/> Holoprosencephalie 2, nicht syndromal | 157170 | <input type="checkbox"/> Prothrombin c.*97G>A Polymorphismus | |
| <input type="checkbox"/> Adrenogenitales Syndrom | | <input type="checkbox"/> Kontraktur Syndrom 1, angeboren letal | 253310 | <input type="checkbox"/> Prothrombin Faktor II-Genanalyse | |
| <input type="checkbox"/> 21-Hydroxylase-Mangel | 201910 | <input type="checkbox"/> Kontraktur Syndrom 2, angeboren letal | 607598 | <input type="checkbox"/> Plasminogen-Aktivator Inhibitor 1 (PAI-1) | 173360 |
| <input type="checkbox"/> 11 β -Hydroxylase-Mangel ² | 202010 | <input type="checkbox"/> Multiples Pterygium Syndrom, letaler Typ | 253290 | <input type="checkbox"/> Sichelzellanämie | 603903 |
| <input type="checkbox"/> 17 α -Hydroxylase-Mangel ² | 202110 | <input type="checkbox"/> Multiples Pterygium Syndrom, nicht letaler Typ | 265000 | <input type="checkbox"/> α -Thalassämie ^{2,5} | 141800 |
| <input type="checkbox"/> 3- β -Hydroxysteroid-Dehydrogenase-Mangel ² | 201810 | <input type="checkbox"/> Noonan Syndrom | 163950 | <input type="checkbox"/> Thalassämia major | |
| <input type="checkbox"/> Hyperinsulinismus, familiär | 256450 | <input type="checkbox"/> Rubinstein-Taybi Syndrom | 180849 | <input type="checkbox"/> Thalassämia minor | |
| <input type="checkbox"/> ABCC8 | | <input type="checkbox"/> <i>CREBBP</i> -Genanalyse | | <input type="checkbox"/> β -Thalassämie ^{2,5} | 141900 |
| <input type="checkbox"/> KCNJ11 | | <input type="checkbox"/> <i>EP300</i> -Genanalyse | | <input type="checkbox"/> Thalassämia major | |
| <input type="checkbox"/> GCK | | <input type="checkbox"/> Waardenburg Syndrom | | <input type="checkbox"/> Thalassämia minor | |
| <input type="checkbox"/> GLUD1 | | <input type="checkbox"/> Typ 1 | 193500 | <input type="checkbox"/> Wiskott-Aldrich Syndrom ² | 301000 |
| <input type="checkbox"/> Kallmann Syndrom | | <input type="checkbox"/> Typ 2 | 193510 | | |
| <input type="checkbox"/> Typ 2 | 147950 | <input type="checkbox"/> Typ 3 | 148820 | 7. Rheumatischer Formenkreis / Hereditäre periodische Fiebersyndrome | |
| <input type="checkbox"/> Typ 3 | 244200 | <input type="checkbox"/> Typ 4 | 277580 | <input type="checkbox"/> CINCA Syndrom | 607115 |
| <input type="checkbox"/> Typ 4 | 610628 | <input type="checkbox"/> WAGR Syndrom | 194072 | <input type="checkbox"/> Familiäres Mittelmeerfieber (FMF) | 249100 |
| <input type="checkbox"/> Typ 5 | 612370 | | | <input type="checkbox"/> Hyper-IgD Syndrom | 260920 |
| <input type="checkbox"/> Typ 6 | 612702 | | | <input type="checkbox"/> Muckle-Wells Syndrom | 191900 |
| <input type="checkbox"/> Maturity Onset Diabetes of the Young | 606391 | 4. Fertilität | | <input type="checkbox"/> Tumornekrosefaktor-Rezeptor-1-assoziertes Syndrom (TRAPS) | 142680 |
| <input type="checkbox"/> MODY Typ 1 (<i>HNF4α</i> -Genanalyse) | 125850 | <input type="checkbox"/> Azoospermiefaktor (AZF) ² | 415000 | | |
| <input type="checkbox"/> MODY Typ 2 (<i>GCK</i> -Genanalyse) | 125851 | <input type="checkbox"/> Congenitale Aplasie des Vas deferens (CAVD /CBAVD) | 277180 | 8. Kardiologie | |
| <input type="checkbox"/> MODY Typ 3 (<i>HNF1α</i> -Genanalyse) | 600496 | <input type="checkbox"/> Kallmann Syndrom | | <input type="checkbox"/> Angiotensin-Converting Enzym (ACE) Insertions-/Deletions-Polymorphismus | 106180 |
| <input type="checkbox"/> MODY Typ 4 (<i>PDX1</i> -Genanalyse) | 606392 | <input type="checkbox"/> Typ 2 | 147950 | <input type="checkbox"/> Kardiomyopathie ² | |
| <input type="checkbox"/> MODY Typ 5 (<i>HNF1β</i> -Genanalyse) | 137920 | <input type="checkbox"/> Typ 3 | 244200 | <input type="checkbox"/> dilatativ (CMD1A) | 115200 |
| <input type="checkbox"/> MODY Typ 6-11 | | <input type="checkbox"/> Typ 4 | 610628 | <input type="checkbox"/> hypertrophisch familiär (CMH) | 192600 |
| <input type="checkbox"/> Multiple Endokrine Neoplasie | | <input type="checkbox"/> Typ 5 | 612370 | <input type="checkbox"/> hypertrophisch infantil | 604377 |
| <input type="checkbox"/> Typ 1 (MEN1) ² | 131100 | <input type="checkbox"/> Typ 6 | 612702 | <input type="checkbox"/> Long QT Syndrom | |
| <input type="checkbox"/> Typ 2 (MEN2) | 171400 | | | <input type="checkbox"/> Jervell u. Lange-Nielsen Syndrom (JLNS1) ² | 220400 |
| <input type="checkbox"/> Schilddrüsenhormonresistenz | 188570 | 5. Fettstoffwechsel | | <input type="checkbox"/> Romano-Ward Syndrom (RWS) | 192500 |
| | | <input type="checkbox"/> Adipositas | | <input type="checkbox"/> LEOPARD Syndrom | 151100 |
| | | <input type="checkbox"/> Melanocortin-4-Rezeptor (MC4R-Genanalyse) | 155541 | | |
| | | <input type="checkbox"/> Proopiomelanocortin (POMC-Genanalyse) | 176830 | 9. Mentale Retardierung | |
| | | <input type="checkbox"/> Hypercholesterinämie | | <input type="checkbox"/> Angelman Syndrom | 105830 |
| | | <input type="checkbox"/> Apolipoprotein B (<i>APOB</i> -Genotypisierung) | 107730 | <input type="checkbox"/> Methylierungsanalyse SNRPN-Genregion | |
| | | <input type="checkbox"/> Apolipoprotein E (<i>APOE</i> -Genotypisierung) | 107741 | <input type="checkbox"/> <i>UBE3A</i> -Genanalyse | |
| | | <input type="checkbox"/> LDL-Rezeptor (<i>LDLR</i> -Genanalyse) | 606945 | <input type="checkbox"/> ARX-assozierte Erkrankungen ² | 300382 |
| | | 6. Hämatologie / Hämostasiologie | | <input type="checkbox"/> Fragiles-X Syndrom | 300624 |
| | | <input type="checkbox"/> Faktor V-Leiden Polymorphismus | 227400 | <input type="checkbox"/> Prader-Willi Syndrom | 176270 |
| | | <input type="checkbox"/> Fanconi Anämie ^{1,2} | 227650 | <input type="checkbox"/> Rett Syndrom (<i>MECP2</i> -Genanalyse) ² | 312750 |
| | | <input type="checkbox"/> Hämochromatose | 235200 | <input type="checkbox"/> Tay-Sachs Erkrankung | 272800 |
| | | <input type="checkbox"/> Hämophilie A ² | 306700 | | |
| | | <input type="checkbox"/> Hämophilie B ² | 306900 | 10. Mitochondropathien | |
| | | <input type="checkbox"/> MTHFR (c.665C>T Polymorphismus) (Homozysteinspiegel >50 μ mol/L) | 607093 | <input type="checkbox"/> Lebersche hereditäre Optikus-neuropathie (LHON) ² | 535000 |
| | | <input type="checkbox"/> Myeloproliferative Erkrankungen (JAK2-Genanalyse: V617F Mutation) | 147796, 263300 | <input type="checkbox"/> MELAS Syndrom (mitochondriale Myopathie) | 540000 |
| | | | | <input type="checkbox"/> MERRF (mitochondriale Myopathie) ² | 545000 |
| | | | | <input type="checkbox"/> NARP | 516060 |

11. Nephrologie

- polyzystische Nierenerkrankung (ARPKD) 263200
- von Hippel-Lindau Syndrom (VHL) 193300
- Wilms-Tumor (*WT1*-Genanalyse) 194070

12. Neurogenetik / Muskelerkrankungen

- Alzheimer Krankheit 104300
 - Typ 1, *APP*-Genanalyse² 104760
 - Typ 3, *PSEN1*-Genanalyse² 104311
 - Typ 4, *PSEN2*-Genanalyse² 600759
 - Apolipoprotein E 107741
- Amyloidpolyneuropathie, familiär² 176300
- Amyloidose, familiär visceral² 105200
 - *LYZ*-Genanalyse 153450
 - *FGA*-Genanalyse 134820
 - *APOA1*-Genanalyse 107680
- Amyotrophe Lateralsklerose²
 - *ALS1*, *SOD1*-Genanalyse 105400
 - *ALS2*, Alsin-Genanalyse 205100
- Ataxia-Telangiectasia 208900
- CADASIL 125310
- Chorea Huntington² 2x5ml EDTA-Blut 143100
- Dentato-Rubro-Pallido-Luysiane Atrophie, DRPLA² 125370
- Familiäre Dysautonomie (Riley-Day Syndrom) 223900
- Dystonien, hereditäre Formen
 - DOPA responsive Dystonie 128230
 - Torsionsdystonie, idiopathische 128100
 - Paroxysmale Dystonie 118800
 - Choreoathetose (PNKD1) 158900
- Fazio-Scapulo-Humerale Muskeldystrophie (FSHD)² 229300
- Friedreich'sche Ataxie² 601097,304040, Neuropathie (HMSN,CMT)² 159440,129010,605725
- Lateralsklerose, primäre (juvenile Form)² 606353
- Morbus Wilson 277900
- Muskeldystrophie
 - Typ Becker 310200
 - Typ Duchenne 300376
 - Typ Duchenne 310200
- Myasthenisches Syndrom, kongenital² 608930
 - *CHRNA1*-Genanalyse
 - *CHRN1*-Genanalyse
 - *CHRN1*-Genanalyse
- Myotone Dystrophie²
 - Typ 1 (Curschmann-Steinert Syndrom) 160900
 - Typ 2 (proximale myotone Myopathie PROMM) 602668
- Rett Syndrom (*MECP2*-Genanalyse)² 312750
- Riley-Day Syndrom (familiäre Dysautonomie) 223900
- Spinale Muskelatrophie (SMA)
 - Typ 1-3 253550,253400
 - Spinalparalyse, hereditäre spastische² 607225
 - Spinocerebelläre Ataxie (SCA)² 164400, Typ 1, 2, 3, 6, 7, 17 183090, 109150,183086, 164500, 608768, 607136
- Tay-Sachs Erkrankung 272800

13. Onkologie / Tumor assoziierte Erkrankungen

- Akute lymphatische Leukämie (ALL,BCR/ABL) 151410
- Ataxia-Telangiectasia 208900
- Beckwith-Wiedemann Syndrom (BWS) 130650
- Chronisch myeloische Leukämie (CML) 608232
 - BCR/ABL qual.
 - BCR/ABL quant.^{2,6} Angabe des BCR/ABL-Bruchpunktes erforderlich
- Denys-Drash Syndrom 194080
- Familiäre adenomatöse Polyposis coli (FAP)² 175100
- Kolonkarzinom, nicht-polypös familiär (HNPCC)² 120435
- Mammakarzinom /Ovarialkarzinom 604370, 612555
 - *BRCA1*-Genanalyse 113705
 - *BRCA2*-Genanalyse 600185
 - *CHEK2*-Polymorphismus 604373
 - *ATM*-Polymorphismus 607585
- Multiple endokrine Neoplasie
 - Typ 1 (MEN1)² 131100
 - Typ 2 (MEN2) 171400
- Muir-Torre Syndrom 158320

- Myeloproliferative Erkrankungen (*JAK2*-Genanalyse: p.V617F Mutation) 147796, 263300
- Neurofibromatose
 - Typ 1 (NF1) 162200
 - Typ 2 (NF2)² 101000
- Peutz-Jeghers Syndrom 175200
- Prostatakarzinom (*PCA3*-Analyse)^{2,7} 604845 Für gesetzlich Krankenversicherte derzeit Selbstzahlerleistung
- Tuberöse Sklerose² 191100
 - *TSC1*-Genanalyse
 - *TSC2*-Genanalyse
- von Hippel-Lindau Syndrom (VHL) 193300
- Wilms-Tumor (*WT1*-Genanalyse) 194070
- WAGR Syndrom 194072

14. Pharmakogenetik (siehe nächste Seite)

15. Ophthalmologie

- Aniridie 106210
- Frasier Syndrom 136680
- Lebersche hereditäre Optikusneuropathie (LHON)² 535000
- Nystagmus infantil, x-linked 310700
- Waardenburg Syndrom
 - Typ 1 193500
 - Typ 2 193510
 - Typ 3 148820
 - Typ 4 277580

16. Skelettdysplasien / Bindegewebserkrankungen

- Achondrogenesis Typ 1B 600972
- Achondrogenesis Typ 2 200610
- Achondroplasia 100800
- Akromesomale Dysplasie
 - Typ Hunter-Thompson 201250
 - Typ Maroteaux 602875
- Alagille Syndrom² 118450
- Apert Syndrom 101200 (siehe FGFR assoziierte Craniosynostosen)
- Brachydactylie Typ B2 611377
- Brachydactylie Typ C 113100
- Chondrodysplasie, Typ Grebe 200700
- Cleidocraniale Dysplasie 119600
- Craniosynostose (FGFR-assoziert)
 - Apert Syndrom 101200
 - Crouzon Syndrom 123500
 - Jackson-Weiss Syndrom 123150
 - Muenke Syndrom 602849
 - Pfeiffer Syndrom 101600
 - Crouzon Syndrom 123500 (siehe FGFR assoziierte Craniosynostosen)
- Diastrophische Dysplasie 222600
- Ehlers-Danlos Syndrom Typ 7 A/B 130060
- Epiphysäre Dysplasie, multipel 226900
- Hypochondroplasia 146000
- Kniest Dysplasie 156550
- Jackson-Weiss Syndrom 123150 (siehe FGFR assoziierte Craniosynostosen)
- Marfan Syndrom 154700
- Mesomele Dysplasie Typ Langer 249700
- Metaphysäre Chondrodysplasie Typ Schmid 156500
- Muenke Syndrom 602849 (siehe FGFR assoziierte Craniosynostosen)
- Multiples Pterygium Syndrom, letaler Typ 253290
- Multiples Pterygium Syndrom, nicht letaler Typ 265000
- Nagel-Patella Syndrom 161200
- Osteogenesis imperfecta Typ 1 166200
- Pseudoachondroplasia 177170
- SHOX-Defizienz
 - Léri-Weill Syndrom 127300
 - Mesomele Dysplasie Typ Langer 249700
 - Kleinwuchs, klinisch nicht eindeutig klassifizierbar
- Silver-Russel Syndrom 180860
- Spondyloepiphysäre Dysplasie, congenitale 183900
- Stickler Syndrom Typ 1 108300
- Thanatophore Dysplasie 187600, 187601

17. Stoffwechselkrankheiten / Speicherkrankheiten

- Adenosin-Deaminase Mangel 102700
- Aldolase B-Mangel 229600 (Fructoseintoleranz, hereditäre)
- α1-Antitrypsin Proteinase Inhibitor-Mangel 613490
- Inhibitor-Mangel
- α-Galaktosidase-A-Mangel 301500 (Morbus Fabry)
- Butyrylcholinesterase-Mangel 177400
- Crigler-Najjar Syndrom
 - Typ 1 218800
 - Typ 2 606785
- Cystische Fibrose 602421
 - Mutations Screening (OLA)
 - „Middle East“-Panel
 - *CFTR*-Genanalyse¹
- Fructoseintoleranz, angeborene (Aldolase B-Mangel) 229600
- Fukosidose 230000
- Glukose-6-Phosphatdehydrogenasemangel (G6PD) 305900
- Hyperinsulinismus, familiär 256450
 - *ABCC8* Genanalyse 600509
 - *KCNJ11* Genanalyse 600937
 - *GCK* Genanalyse 138079
 - *GLUD1* Genanalyse 138130
- Laktoseintoleranz 223100 (c.-13910 T>C-polymorphismus)
- Medium-Chain-Acyl-CoA-Dehydrogenase-Mangel (MCAD)² 201450
- Maturity Onset Diabetes of the Young 606391
 - MODY Typ 1 (*HNF4α*-Genanalyse) 125850
 - MODY Typ 2 (*GCK*-Genanalyse) 125851
 - MODY Typ 3 (*HNF1α*-Genanalyse) 600496
 - MODY Typ 4 (*PDX1*-Genanalyse) 606392
 - MODY Typ 5 (*HNF1β*-Genanalyse) 137920
 - MODY Typ 6-11
- Morbus Fabry (α-Galaktosidase-A-Mangel) 301500
- Morbus Meulengracht / Morbus Gilbert (*UGT1A1/TA*-Polymorphismus) 143500
- Morbus Wilson 277900
- Muir-Torre Syndrom 158320
- Mukoviszidose 602421
- Pankreatitis, hereditär 167800
 - *PRSS1*-Genanalyse
 - *SPINK1*-Genanalyse
 - *CFTR*-Genanalyse
- Surfactant-Protein B-Defizienz² 178640

18. Verwandtschaftsanalysen²

- Abstammungsgutachten (Vater, Mutter, Kind)
- gerichtsfähiges Abstammungsgutachten (Vater, Mutter, Kind)
- Defizienzfälle (Geschwisteranalysen usw.) Bitte gesondertes Anforderungsformular mit Identitätsnachweis bei bio.logis Zentrum für Humangenetik anfordern!

19. Sonstige molekulargenetische Diagnostik

- HIV Wirtsresistenz 601373, (*CCR5*, *CCR2*, *SDF1*-Genotypisierung) 601267, 600835
- Morbus Crohn 266600 (*CARD15*-Polymorphismen)
- Sensorineurale nicht-syndromale Hörstörung
 - Connexin-26 (*GJB2*-Genanalyse) 121011
 - Connexin-30 (*GJB6*-Genanalyse) 604418
 - Connexin-30.3 (*GJB4*-Genanalyse) 605425
 - Connexin-31 (*GJB3*-Genanalyse) 603324
 - Connexin-32 (*GJB1*-Genanalyse) 304040
- Uniparentale Disomie (UPD) Chromosom:

Sonstige

Untersuchungen nach Fachgebieten, Krankheits-/Themengruppen (Fortsetzung)

14. Pharmakogenetik

| | OMIM | | OMIM | | OMIM |
|--|--------|--|--------|--|--------|
| ○ Angiotensin 1 Converting Enzym (<i>ACE</i>) Insertions-/ Deletionspolymorphismus | 106180 | ○ Cytochrom P450-Genotypisierung | | ○ Glutathione S-transferase (<i>GST</i> -Genotypisierung) | |
| ○ Angiotensin Rezeptor 1 (<i>AGTR1</i>) | 106165 | ○ <i>CYP1A1</i> | 108330 | ○ <i>GST M1</i> | 138350 |
| ○ <i>BCHE</i> -Genotypisierung | 177400 | ○ <i>CYP1A2</i> | 124060 | ○ <i>GST P1</i> | 600436 |
| ○ Beta-2-Adrenozeptoragonist | | ○ <i>CYP3A4</i> | 124010 | ○ <i>GST T1</i> | 134660 |
| ○ <i>ADRB2</i> -Genotypisierung | 109690 | ○ <i>CYP3A5</i> | 605325 | ○ MTHFR (c.665C>T Polymorphismus) | 607093 |
| ○ Clopidogrel-Resistenz | | ○ <i>CYP2C8</i> | 601129 | ○ Multidrug Resistenz (<i>MDR1</i> -Genotypisierung) | 171050 |
| ○ <i>ABCB1</i> ² | 171050 | ○ <i>CYP2D6</i> | 124030 | ○ N-acetyltransferase (<i>NAT2</i> -Genotypisierung) | 243400 |
| ○ <i>CYP2C19</i> | 124020 | ○ <i>CYP2C9</i> | 601130 | ○ <i>SULT1A1</i> -Genotypisierung | 171150 |
| ○ <i>PON1</i> ² | 168820 | ○ <i>SUCT1A1</i> | 124020 | ○ Thiopurine-S-methyltransferase (<i>TPMT</i> -Genotypisierung) | 187680 |
| ○ <i>COMT</i> -Genotypisierung (p.Val158Met) | 116790 | ○ <i>UGT2B15</i> | 600069 | ○ <i>UGT1A1</i> -Genotypisierung (c.-40TAins/del) | 143500 |
| | | ○ DPD Mangel (Exon 14 Skipping, 5-FU-Toxizität) | 274270 | ○ <i>VKORC1</i> -Genotypisierung | 608547 |
| | | ○ Glucose-6-Phosphatdehydrogenase-Mangel (<i>G6PD</i>) | 305900 | | |

Medikation

| | | |
|--|--|--|
| | | |
| | | |
| | | |

Arzneistoffe, bei deren Anwendung eine pharmakogenetische Untersuchung sinnvoll sein kann

| Medikamentengruppe | Wirkstoff (Auswahl) | Gen |
|--|---|---|
| Antiasthmatika ² | Salbutamol | <i>ADRB2</i> -Genotypisierung |
| Antidepressiva | Fluoxetin Moclobemid Amitryptilin | <i>CYP2C9</i> , <i>CYP2C19</i> , <i>CYP2D6</i> <i>CYP2D6</i> <i>CYP2C19</i> |
| Analgetika /Antitussiva | Phenacetin, Paracetamol Codein Diclofenac, Ibuprofen | <i>CYP1A2</i> <i>CYP2D6</i> <i>CYP2C9</i> |
| Antiarrhythmika | Encaimid Procainamid Theophyllin | <i>CYP2D6</i> <i>NAT2</i> <i>CYP1A2</i> |
| Antidiabetika | Glibenclamid, Tolbutamid, Troglitazon | <i>CYP2C9</i> |
| Antiepileptika | Phenobarbital, Phenytoin | <i>CYP2C9</i> |
| Antihypertensiva | Captopril, Lisinopril, Ramipril Losartan, Irbesartan, Valsartan Propranolol, Carvedilol Irbesatan Propranolol | <i>ACE</i> <i>AGTR1</i> <i>CYP2D6</i> <i>CYP2C9</i> <i>CYP2C19</i> |
| Diuretika | Torasemid, Tienilinsäure | <i>CYP2C19</i> |
| Hämostase | Clopidogrel S-Warfarin, Marcumar Marcumar, Phenprocoumon, S-Warfarin | <i>CYP2C19</i> , <i>ABCB1</i> , <i>PON1</i> <i>CYP2C9</i> <i>VKORC1</i> |
| Hormone | endogene u. exogene Catechole, L-Dopa Estrogen Tamoxifen | <i>COMT</i> -Genotypisierung (p.Val158Met) <i>CYP2C19</i> , <i>COMT</i> -Genotypisierung (p.Val158Met) <i>CYP2C19</i> , <i>CYP2C9</i> , <i>CYP3A4</i> , <i>CYP3A5</i> , <i>SUCT1A1</i> , <i>UGT2B15</i> |
| Neuroleptika | Haloperidol, Clozapin | <i>CYP2D6</i> |
| Protonenpumpenhemmer | Omeprazol, Lansoprazol, Pantoprazol | <i>CYP2C19</i> |
| Psychostimulantien | Coffein | <i>CYP1A2</i> |
| Statine | Fluvastatin | <i>CYP2C9</i> |
| Tranquillanzien | Diazepam | <i>CYP2C19</i> |
| Xenobiotika, Giftstoffe | Xenobiotika, cancerogene Stoffe | <i>GST M1</i> , <i>GST P1</i> , <i>GST T1</i> |
| Zytostatika | 5-FU, Capecitabin Azathioprin, 6-Mercaptopurin, 6-Thioguanin Irinotecan | <i>DPD</i> <i>TPMT</i> <i>UGT1A1</i> |
| Zytostatika /Bioverfügbarkeit Arzneimittel | Digoxine, Anthracycline, Taxane, Vincaalkaloide | <i>MDR1</i> |

Allgemeine und präanalytische Hinweise

| Probenmaterial | Menge / Lagerung |
|---|------------------------------|
| EDTA-Blut (Molekulargenetik) | 3-5 ml / Raumtemperatur (RT) |
| Heparin-Blut (Zytogenetik/FISH) | 5-10 ml / RT |
| Heparin-Knochenmarkspirat (Zytogenetik/FISH) | 2-5 ml / RT |
| Fixierte Zellsuspensionen (Zytogenetik/FISH) | mind. 3 ml / RT |
| Tumorgewebe | Transportmedium ³ |
| DNA | mind. 1-10 µg / RT |
| DNA bei Fra-X | mind. 20-50 µg / RT |
| Probenmaterial für Immunophänotypisierung: | |
| EDTA-Blut (CD34-Monitoring / Immundefekt ⁴) | 5 ml / RT |
| Heparin-Blut und | 10 ml / RT |
| Heparin-Knochenmarkspirat (CLL, CML, NHL, Myelom) | 2-4 ml / RT |

Bitte beachten Sie, dass für die Anforderungen von zytogenetischen und molekulargenetischen Untersuchungen als kassenärztliche Leistung der **Überweisungs- / Abrechnungsschein Muster 10** notwendig ist.

Bitte beachten Sie die Angabe der Ausnahmekennziffer.

Diese Untersuchungen werden nach Ziffern aus dem Kapitel 11 des EBM abgerechnet. Sie belasten **nicht** Ihr Budget.

Kostenübernahmeerklärung bei privater Versicherung

Bitte klären Sie mit Ihrem Versicherer die Kostenübernahme für die molekulargenetischen Analysen. Hierzu stellen wir Ihnen gerne einen Antrag auf Übernahme der Kosten zur Verfügung. Sollten Sie Unterstützung für die Erläuterung des geplanten Vorgehens für die Versicherung benötigen, können Sie sich gerne an uns wenden.

Probenversandmaterial und Verpackungsmaterial erhalten Sie von bio.logis Zentrum für Humangenetik unter der Service Nummer 069-53084 37-0.

¹ Heparin-Blut als Probenmaterial, Probe muss am Abnahmetag verschickt werden. Einsendung der Probe Mo. – Mi.

² Untersuchungen werden in Kooperation mit externen Laboratorien durchgeführt, die wir Ihnen auf Anfrage gerne mitteilen.

³ Bei bio.logis Zentrum für Humangenetik anfordern

⁴ Immundefekt: Differential-Blutbild erforderlich (Befund)

⁵ HB-Elektrophorese und Hämogramm erforderlich

⁶ Spezielles Abnahmesystem (PAX-Röhrchen) bei bio.logis Zentrum für Humangenetik anfordern

⁷ Urin einsenden; spezielles Röhrchen mit Stabilisator (PCA3 Kit) bei bio.logis Zentrum für Humangenetik anfordern